

Jean-Louis SPADONI

Né le 22 janvier 1975 à Aix en Provence

Célibataire.

Adresse personnelle: Résidence le Galice, rue la Chartreuse, E, 13090 AIX-EN-PCE

Tél : 06 83 20 62 94

email : jean-louis.spadoni@lecnam.net

CURRICULUM VITAE

TITRES ET DIPLÔMES

- 1^{er} Février 2006 : Maître de conférences à la Chaire de bioinformatique du CNAM (section CNU 65).
- 1999-2002 : Thèse de Doctorat de Sciences, spécialité : Paléogénétique et Génétique mitochondriale, à l'Université de la Méditerranée/ Faculté de Médecine de Marseille
Sujet: "Etude de l'ADN ancien des *Bovidae* du site de Lattara".

ACTIVITES UNIVERSITAIRES

1/ Enseignement

- Depuis Sep 2006 Responsable opérationnel des enseignements de Bioinformatique du CNAM (équipe pédagogique Bioinformatique, EPN7)
Responsable du parcours bioinformatique de la licence Professionnelle de Biotechnologie et du certificat de compétences de bioinformatique du CNAM:
Initiation à la programmation, Algorithmique, Systèmes d'exploitation, Bases de données, Internet: **120 Heures/an**
Utilisation et applications de la bioinformatique: **25 Heures/an**
Licence professionnelle de génomique du CNAM :
Introduction aux principaux logiciels de bioinformatique : **60 Heures/an**
- Depuis Sep 2018 Responsable du parcours pharmacovigilance et autres vigilances de la licence Professionnelle de Biotechnologie du CNAM
Systèmes d'exploitation, bases de données, Internet: **30 Heures/an**

2/ Recherche

- De Fév 2006 à Dec 2010 Chaire de Bioinformatique du CNAM (Pr Zagury) et EA 3199 (Pr Pochart)
Depuis janvier 2011 Laboratoire GBA du CNAM (Pr Zagury).
- Etude des polymorphismes génétiques des patients extrêmes du sida de la cohorte GRIV et IHAC
- Développement d'une méthode d'analyse des polymorphismes à partir de banques d'expression (eQTL)
- Développement du logiciel Automat de criblage des banques.
- Modélisation moléculaire : Design d'antigènes peptidiques pour des vaccins anti-cytokines.
- 2015-2017 Co-encadrement doctoral

COMPETENCES

- Biologie : Techniques de la Biologie cellulaire et de la Biologie moléculaire
Informatique : Maîtrise des plateformes Unix/PC/Mac
Maîtrise des langages : Scheme, Java, C, PHP, HTML, SQL, Python, Bash
Bioinformatique : Alignements de séquences, criblage de banques, Phylogénie, Analyse des réseaux métaboliques, NGS, Modélisation moléculaire, Statistiques de base

RESPONSABILITES COLLECTIVES

- Depuis Sep 2013 Membre du jury national de l'Eicnam
Depuis Avr 2014 Membre du Conseil Scientifique du Cnam
Depuis Avr 2017 Membre élu du Conseil de l'EPN 7 (équivalent à un département)

PUBLICATIONS

Revue à comité de lecture

- 1/ Stevanovitch A, Taillé A, Garcin G, **Spadoni JL**, Frackowiak S, Coiffait PE & Béraud-Colomb E. "Direct evidence of ancient human DNA from human bones up to twelve thousand years old by probe hybridization". *Anthropologie*, 2001, N°XXXIX/2-3 : 233-239
- 2/ Mogentale-Profizi N, Chollet L, Stevanovitch A, Dubut V, Poggi C, Pradie MP, **Spadoni JL**, Gilles A. & Béraud-Colomb E. "Mitochondrial DNA sequence diversity in two groups of Italian Veneto speakers from Veneto". *Ann Hum Genet*, 2001, 65 : 153-166
- 3/ **Spadoni JL**, Stevanovitch A & Béraud-Colomb E. "Analyse de l'ADN mitochondrial de quelques bovins du site archéologique de Lattara ". *British Archéological Report*, 2002, S1017 : 59-62
- 4/ Kefi R, Mafart B, **Spadoni JL**, Stevanovitch A & Eliane Béraud-Colomb E. "Application de la technique de PCR en temps réel à l'étude de l'ADN ancien". *C. R. Palevol*, 2003, 2 : 125-132
- 5/ Stevanovitch A, Gilles A, Bouzaid E, Kefi R, Paris F, Gayraud RP, **Spadoni JL**, El-Chenawi F & Béraud-Colomb E. "Mitochondrial DNA Sequence Diversity in a Sedentary Population from Egypt". *Ann Hum Genet*, 2004, 68 : 23-39
- 6/ Cantalloube H, Chomilier J, Chiusa S, Lonquety M, **Spadoni JL**, Zagury J-F. "Filtering redundancies for sequence similarity search programs". *J Biomol Struct Dyn*, 2005, 22 : 487-492
- 7/ Bertin-Maghit S, Capini C, Bessis N, Chomilier J, Muller S, Abbas A, **Spadoni JL**, Autin L, Rappaport J, Therwath A, Boissier MC, Zagury J-F. "Improvement of collagen-induced arthritis by immunization against murine IL1b peptides designed by molecular modelling". *Vaccine*, 2005, 23: 4228-4235
- 8/ Diop G, **Spadoni JL**, Do H, Hirtzig T, Coulonges C, Labib T, Issing W, Rappaport J, Therwath A, Lathrop M, Matsuda F, Zagury J-F. "Genomic approach of AIDS pathogenesis : exhaustive genotyping of the TNFR1 gene in a French AIDS cohort". *Biomed Pharmacother*, 2005, 59 : 474-480.
- 9/ Do H, Vasilescu A, Diop G, Hirtzig T, Coulonges C, Labib T, Heath SC, **Spadoni JL**, Therwath A, Lathrop M, Matsuda F, Zagury JF. "Associations of the IL2Ralpha, IL4Ralpha, IL10Ralpha, and IFN (gamma) R1 cytokine receptor genes with AIDS progression in a French AIDS cohort". *Immunogenetics*, 2006, 58 : 89-98.
- 10/ Diop G, Hirtzig T, Do H, Coulonges C, Vasilescu A, Labib T, **Spadoni JL**, Therwath A, Lathrop M, Matsuda F, Zagury JF. "Exhaustive genotyping of the interferon alpha receptor 1 (IFNAR1) gene and association of an IFNAR1 protein variant with AIDS progression or susceptibility to HIV-1 infection in a French AIDS cohort". *Biomed Pharmacother*, 2006, 60 : 569-577.
- 11/ Coulonges C, Delaneau O, Girard M, Do H, Adkins R, **Spadoni JL**, Zagury JF. "Computation of haplotypes on SNPs subsets: advantage of the global method". *BMC Genet*, 2006, 7:50.
- 12/ Do H, Vasilescu A, Carpentier W, Meyer L, Diop G, Hirtzig T, Coulonges C, Labib T, **Spadoni JL**, Therwath A, Lathrop M, Matsuda F, Zagury JF. "Exhaustive genotyping of the interleukin-1 family genes and associations with AIDS progression in a French cohort". *J Infect Dis*, 2006, 194 : 1492-1504.
- 13/ Delaneau O, Coulonges C, Boelle PY, Nelson G, **Spadoni JL**, Zagury JF. "ISHAPE: new rapid and accurate software for haplotyping. *BMC Bioinformatics* ». 2007, 8 : 205.
- 14/ Limou S, Coulonges C, Foglio M, Heath S, Diop G, Leclerc S, Hirtzig T, **Spadoni JL**, Therwath A, Lambeau G, Gut I, Zagury JF. "Exploration of associations between phospholipase A2 gene family polymorphisms and AIDS progression using the SNPlextrade mark method". *Biomed Pharmacother*, 2008, 62 : 31-40.
- 15/ Limou S, Le Clerc S, Coulonges C, Carpentier W, Dina C, Delaneau O, Labib T, Taing L, Sladek R; ANRS Genomic Group, Deveau C, Ratsimandresy R, Montes M, **Spadoni JL**, Lelièvre JD, Lévy Y, Therwath A, Schächter F, Matsuda F, Gut I, Froguel P, Delfraissy JF, Hercberg S, Zagury JF. " Genomewide Association Study of an AIDS-Nonprogression Cohort Emphasizes the Role Played by HLA Genes (ANRS Genomewide Association Study 02). *J Infect Dis*, 2009, 199 : 419-426.

- 16/ Le Clerc S, Limou S, Coulonges C, Carpentier W, Dina C, Taing L, Delaneau O, Labib T, Sladek R; ANRS Genomic Group, Deveau C, Guillemain H, Ratsimandresy R, Montes M, **Spadoni JL**, Therwath A, Schächter F, Matsuda F, Gut I, Lelièvre JD, Lévy Y, Froguel P, Delfraissy JF, Herberg S, Zagury JF. Genomewide association study of a rapid progression cohort identifies new susceptibility alleles for AIDS (ANRS Genomewide Association Study 03). *J Infect Dis.* 2009 200, 1194-201
- 17/ Giganti D, Guillemain H, **Spadoni JL**, Nilges M, Zagury JF, Montes M. "Comparative evaluation of 3D virtual ligand screening methods: impact of the molecular alignment on enrichment". *J Chem Inf Model.* 2010, 50 : 992-1004.
- 18/ Le Clerc S, Coulonges C, Delaneau O, Van Manen D, Herbeck JT, Limou S, An P, Martinson JJ, **Spadoni JL**, Therwath A, Veldink JH, van den Berg LH, Taing L, Labib T, Mellak S, Montes M, Delfraissy JF, Schächter F, Winkler C, Froguel P, Mullins JI, Schuitemaker H, Zagury JF. "Screening low-frequency SNPS from genome-wide association study reveals a new risk allele for progression to AIDS". *J Acquir Immune Defic Syndr*, 2011, 56 : 279-284.
- 19/ Limou S, Delaneau O, van Manen D, An P, Sezgin E, Le Clerc S, Coulonges C, Troyer JL, Veldink JH, van den Berg LH, **Spadoni JL**, Taing L, Labib T, Montes M, Delfraissy JF, Schachter F, O'Brien SJ, Buchbinder S, van Natta ML, Jabs DA, Froguel P, Schuitemaker H, Winkler CA, Zagury JF. Multicohort genomewide association study reveals a new signal of protection against HIV-1 acquisition. *J Infect Dis.* 2012, 205:1155-1162.
- 20/ Evidence after imputation for a role of MICA variants in nonprogression and elite control of HIV type 1 infection. Le Clerc S, Delaneau O, Coulonges C, **Spadoni JL**, Labib T, Laville V, Ulveling D, Noirel J, Montes M, Schächter F, Caillat-Zucman S, Zagury JF. *J Infect Dis.* 2014, 15;210(12):1946-50.
- 21/ Microbial diversity observed during hemp retting. Ribeiro A, Pochart P, Day A, Mennuni S, Bono P, Baret JL, **Spadoni JL**, Mangin I. *Appl Microbiol Biotechnol.* 2015, 99(10):4471-84.
- 22/ Identification of Genes Whose Expression Profile Is Associated with Non-Progression towards AIDS Using eQTLs. **Spadoni JL**, Rucart P, Le Clerc S, van Manen D, Coulonges C, Ulveling D, Laville V, Labib T, Taing L, Delaneau O, Montes M, Schuitemaker H, Noirel J, Zagury JF. *PLoS One.* 2015, 14;10(9):e0136989.
- 23/ Identification of an in vivo orally active dual-binding protein-protein interaction inhibitor targeting TNF α through combined in silico/in vitro/in vivo screening. Mouhsine H, Guillemain H, Moreau G, Fourati N, Zerrouki C, Baron B, Desallais L, Gizzi P, Ben Nasr N, Perrier J, Ratsimandresy R, **Spadoni JL**, Do H, England P, Montes M, Zagury JF. *Sci Rep.* 2017 Jun 13;7(1):3424.